



별첨 사본은 아래 출원의 원본과 동일함을 증명함.

This is to certify that the following application annexed hereto is a true copy from the records of the Korean Intellectual Property Office.

출원 번호 : 10-2003-0083653  
Application Number

출원 년 월 일 : 2003년 11월 24일  
Date of Application NOV 24, 2003

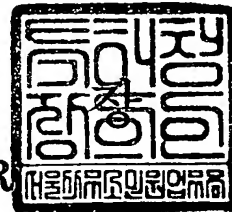
출원인 : 경상남도 외 1명  
Applicant(s) KYONGSANGNAM-DO, et al.



2004 년 01 월 09 일

특 허 청

COMMISSIONER



## 【서지사항】

【서류명】	특허출원서
【권리구분】	특허
【수신처】	특허청장
【참조번호】	0004
【제출일자】	2003.11.24
【발명의 명칭】	돼지의 성장특이유전자의 발현 프로파일의 검색 및 이를 이용한 기능성 cDNA 칩
【발명의 영문명칭】	Screening expression profile of growth specific genes in swine and functional cDNA chip prepared by using the same
【출원인】	
【명칭】	경상남도
【출원인코드】	2-1998-700639-1
【출원인】	
【성명】	김철욱
【출원인코드】	4-1998-025596-2
【대리인】	
【성명】	이덕록
【대리인코드】	9-1998-000461-7
【포괄위임등록번호】	2003-050652-8
【포괄위임등록번호】	1999-048511-1
【발명자】	
【성명】	김철욱
【출원인코드】	4-1998-025596-2
【발명자】	
【성명의 국문표기】	여정수
【성명의 영문표기】	YE0, Jung Sou
【주민등록번호】	500510-1800817
【우편번호】	706-092
【주소】	대구광역시 수성구 지산2동 화성맨션 107동 301호
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	이정규
【성명의 영문표기】	LEE, Jung Gyu

【주민등록번호】	580303-1923714
【우편번호】	660-080
【주소】	경상남도 진주시 이현동 235-1번지 덕산아파트 407호
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	송영민
【성명의 영문표기】	SONG,Young Min
【주민등록번호】	561025-1830315
【우편번호】	660-320
【주소】	경상남도 진주시 상대동 현대아파트 109동 1307호
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	조광근
【성명의 영문표기】	CHO,Kwang Keun
【주민등록번호】	591221-1531620
【우편번호】	130-080
【주소】	서울특별시 동대문구 이문동 삼성래미안아파트 203동 1304호
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	정기화
【성명의 영문표기】	CHUNG,Ki Hwa
【주민등록번호】	570505-1917220
【우편번호】	660-764
【주소】	경상남도 진주시 상대2동 상대한보아파트 103동 709호
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	김일석
【성명의 영문표기】	KIM,Il Suk
【주민등록번호】	570910-1772810
【우편번호】	442-370
【주소】	경기도 수원시 팔달구 매탄동 동남빌라 10동 202호
【국적】	KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 진상근  
【성명의 영문표기】 JIN, Sang Keun  
【주민등록번호】 600518-1920513  
【우편번호】 660-110  
【주소】 경상남도 진주시 평거동 401번지 벽산 동신아파트 101동 903호  
【국적】 KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 박수현  
【성명의 영문표기】 PARK, Su Hyun  
【주민등록번호】 750228-2829619  
【우편번호】 660-010  
【주소】 경상남도 진주시 중안동 1-1번지  
【국적】 KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 정지원  
【성명의 영문표기】 JUNG, Ji Won  
【주민등록번호】 800926-2831216  
【우편번호】 660-340  
【주소】 경상남도 진주시 상평동 275-73번지  
【국적】 KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 이민정  
【성명의 영문표기】 LEE, Min Jung  
【주민등록번호】 810527-2918414  
【우편번호】 660-330  
【주소】 경상남도 진주시 하대동 304-12번지  
【국적】 KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 권은정  
【성명의 영문표기】 KWON, Eun Jung  
【주민등록번호】 730525-2829214

【우편번호】	660-770
【주소】	경상남도 진주시 주악동 금호석류마을 110동 101호
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	조은석
【성명의 영문표기】	CHO,Eun Segk
【주민등록번호】	791228-1829221
【우편번호】	660-290
【주소】	경상남도 진주시 주악동 161-8번지
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	조확래
【성명의 영문표기】	CHO,Hwok Rai
【주민등록번호】	790707-1891918
【우편번호】	636-803
【주소】	경상남도 의령군 의령읍 동동리 1063번지
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	신선민
【성명의 영문표기】	SHIN,Sun Min
【주민등록번호】	830711-2829610
【우편번호】	660-300
【주소】	경상남도 진주시 가좌동 주공아파트 101동 1307호
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	남희선
【성명의 영문표기】	NAM,Hee Sun
【주민등록번호】	831002-2829713
【우편번호】	660-080
【주소】	경상남도 진주시 이현동 우신파크맨션 1308호
【국적】	KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 홍연희  
【성명의 영문표기】 HONG, Yeon Hee  
【주민등록번호】 770817-2923114  
【우편번호】 660-080  
【주소】 경상남도 진주시 이현동 유신맨션 1동 407호  
【국적】 KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 홍성광  
【성명의 영문표기】 HONG, Sung Kwang  
【주민등록번호】 641217-1930411  
【우편번호】 667-911  
【주소】 경상남도 하동군 진교면 양포리 산 100번지  
【국적】 KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 강양수  
【성명의 영문표기】 KANG, Yang Su  
【주민등록번호】 571101-1889812  
【우편번호】 660-330  
【주소】 경상남도 진주시 하대동 654-2 대영아파트 102동 1209호  
【국적】 KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 하영주  
【성명의 영문표기】 HA, Young Joo  
【주민등록번호】 570903-1917112  
【우편번호】 664-910  
【주소】 경상남도 사천시 곤양면 금정리 산 18번지  
【국적】 KR

## 【발명자】

【성명의 국문표기】 노정만  
【성명의 영문표기】 ROU, Jeong Man  
【주민등록번호】 611121-1925713

【우편번호】	676-804
【주소】	경상남도 함양군 함양읍 백천리 1463번지
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	곽석준
【성명의 영문표기】	KWACK, Suk Chun
【주민등록번호】	530216-1845717
【우편번호】	660-778
【주소】	경상남도 진주시 하대2동 101번지 현대아파트 106동 1007호
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	최인호
【성명의 영문표기】	CHOI, In Ho
【주민등록번호】	640729-1253820
【우편번호】	157-220
【주소】	서울특별시 강서구 방화동 개화아파트 107동 902호
【국적】	KR
【발명자】	
【성명의 국문표기】	김병우
【성명의 영문표기】	KIM, Byeong Woo
【주민등록번호】	720505-1899319
【우편번호】	627-841
【주소】	경상남도 밀양시 상동면 금산리 147번지
【국적】	KR
【심사청구】	청구
【핵산염기 및 아미노산 서열목록】	
【서열개수】	5
【서열목록의 전자파일】	첨부
【취지】	특허법 제42조의 규정에 의한 출원, 특허법 제60조의 규정에 의한 출원심사를 청구합니다. 대리인 이덕록 (인)
【수수료】	
【기본출원료】	19      면                      29,000    원
【가산출원료】	0      면                      0      원

1020030083653

출력 일자: 2004/1/13

【우선권 주장료】	0	건	0	원
【심사청구료】	3	항	205,000	원
【합계】	234,000			원



**【요약서】****【요약】**

본 발명은 돼지의 성장특이유전자의 발현 프로파일의 검색 및 이를 이용한 기능성 cDNA 칩에 관한 것으로, 돼지의 근육과 지방 조직에서 성장에 관여하는 신규한 성장인자의 염기서열을 제공하는 뛰어난 효과가 있다. 또한, 본 발명은 상기에서 얻은 성장특이유전자만을 집적하여 제조된 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩을 제공하는 뛰어난 효과가 있다. 따라서, 본 발명의 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩은 종돈개량과 신품종 육종에 사용될 수 있다.

**【색인어】**

돼지, 성장특이유전자, DNA 칩, 종돈개량

## 【명세서】

## 【발명의 명칭】

돼지의 성장특이유전자의 발현 프로파일의 검색 및 이를 이용한 기능성 cDNA 칩  
 {Screening expression profile of growth specific genes in swine and functional cDNA chip  
 prepared by using the same}

## 【발명의 상세한 설명】

## 【발명의 목적】

## 【발명이 속하는 기술분야 및 그 분야의 종래기술】

- <1> 본 발명은 돼지의 성장특이유전자의 발현 프로파일의 검색 및 이를 이용한 기능성 cDNA 칩에 관한 것이다. 보다 상세하게는, 본 발명은 돼지의 근육과 지방 조직에서 성장단계에 따라 특이적으로 발현되는 성장특이유전자의 발현 프로파일을 검색하고 이로부터 얻은 특이유전자만을 집적하여 제조된 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩에 관한 것이다.
- <2> 분자생물학의 발전은 가축의 유전육종분야에도 막대한 영향을 미치게 되어 돼지의 유전자 연관지도(genetic linkage map)와 양적형질 지도(quantitative trait loci, QTL map) 작성에 있어서도 많은 발전을 가져왔다. 특히 경제형질과 연관된 QTL의 맵핑(mapping)이나 여러 형질에 영향을 미칠 것으로 추정되고 있는 후보유전자(candidate gene)들을 발견하여 양돈산업에도 직접적인 응용이 가능하게 되었다. 현재까지 돼지의 게놈 맵핑은 세계적으로 공식화된 PiGMap(International Pig Genome Mapping Project) consortium map (Archibald 등, 1995)과 USDA(United States Department of Agriculture) gene map(Rohrer 등, 1994) 등과 같은 협동

연구가들에 의해 마커와 유전자가 결합된 약 1,800개의 마커를 확보하여 돼지의 연관지도를 작성하고 있다(Archibald, 1994; Marklund 등, 1996; Rohrer 등, 1996). 또한 최근에는 QTL scan을 통해 경제적으로 중요한 형질에 대한 연관 DNA 마커를 확인하는 연구도 활발하게 진행되고 있다(Nielsen 등, 1996)

<3> 돼지의 유전자 지도의 작성은 양적형질과 연관된 특이적 마커를 식별하는데 있어 중요한 과정인데(Andersson 등, 1994; Archibald, 1994; Schook 등, 1994), 돼지의 6번 염색체상에 존재하는 마커와 경제적으로 중요한 성장형질 또는 도체형질간의 연관성에 근거하여 유전적 연관 지도를 작성하게 되었다(Clamp 등, 1992; Louis 등, 1994; Chevaletn 등, 1996).

<4> 돼지의 개량목표의 대상이 되는 형질은 복당산자수, 육돈의 성장률, 사료효율, 등지방층과 관련된 도체율과 정육율의 증가이다. 일반적으로 일당증체량과 사료효율간의 유전상관계수는 매우 높아 돼지의 성장률을 개량하면 사료이용도 동시에 개량된다. 사료를 제한 급여시킬 때 일당증체량의 유전력은 0.14~0.76으로서 평균 0.30이며, 이때 일당증체량과 사료효율간의 유전상관계수는 -1.07 ~ -0.93로서 평균 -1.0으로 보고하여 일당증체량과 사료효율 간에는 매우 높은 상관관계가 있다는 것을 알 수 있다. 그러므로 일당증체량은 비육돈의 증체능력을 나타내는 중요한 형질이 된다.

<5> 종래에는 돼지에 존재하는 유전적 차이를 시험하기 위해 노던 블랏팅, 디퍼

렌셜 디스플레이, 유전자 발현의 순차적 분석 및 닷 블랏 분석과 같은 mRNA 수준에서 유전자 발현을 분석하는 몇몇 기술들이 사용되었지만, 이들 방법들은 다수의 발현 산물들을 동시에 분석하는데 있어서는 부적절한 단점을 가지고 있었다. 최근에는 이러한 단점들을 보완하기 위해 cDNA 마이크로어레이와 같은 신기술이 개발되었다. cDNA 마이크로어레이는 많은 생물들에서 유전자 발현을 연구함에 있어 가장 강력한 수단이 되고 있다. 이 기술은 폴리몰피즘 스크리닝과 유전체 DNA 클론의 맵핑 뿐만 아니라 수많은 유전자들의 동시 발현과 대규모의 유전자 발견에 적용되었다. 이미 알려져 있거나 혹은 미확인의 유전자들로부터 전사된 RNA를 정량적으로 분석하는 고도의 RNA 발현 분석 기술인 것이다.

<6> 현재 사용되고 있는 DNA 칩 타입에는 데이터 베이스 정보를 기반으로 프라이머를 설계하여 cDNA 라이브러리에서 유전자를 모아 제작한 종합적 DNA 칩과 기존의 문헌 등을 근거로 관련 유전자를 모아 제작한 기능별 DNA 칩이 있다. 종합적 DNA 칩을 이용하여 해석하는 경우에는 관련없는 유전자의 작용으로 인한 해석의 어려움과 최종적으로 생물학적인 역할을 해석할 때 방대한 노력이 필요하고, 데이터 베이스를 근거로 하므로 신규유전자가 없을 수도 있고, 관계하는 유전자 일부의 누락 가능성 등의 어려움이 있다. 한편, 기능별 DNA 칩은 해석하기 칩이지만 기존의 문헌에 기재되지 않은 유전자나 기능이 알려져 있지 않은 유전자를 특정화 하려는 경우 다시 한번 유전자를 수집하여야 할 필요가 있다. 따라서, 효과적인 해석을 위해서는 칩상의 DNA 구성이 매우 중요하다.

<7> 이점에 착안하여 본 발명자는 돼지의 특정 조직에서 성장에 관여하는 유전자의 발현 프로파일을 검색함에 있어 cDNA 마이크로어레이 기술을 도입하고 이로부터 밝혀진 특이유전자만을 집적한 기능성 cDNA 칩을 제작하여 성장능력이 우수한 종돈 개량 및 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석에 응용하고자 하였다.

<8> 따라서, 본 발명의 목적은 돼지의 근육과 지방 조직에서 분리한 총 RNA로부터 제작한 프로브를 집적한 기질에 돼지의 근육과 지방 조직에서 얻은 표적 DNA를 혼성화시켜 성장에 관여하는 성장특이유전자의 발현 프로파일을 검색하고자 한다.

<9> 또한, 본 발명의 다른 목적은 상기에서 검색된 특이유전자만을 집적하여 제작한 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩을 제공하고자 한다.

#### 【발명이 이루고자 하는 기술적 과제】

<10> 본 발명의 상기 목적은 돼지의 근육과 지방 조직에서 분리한 총 RNA로부터 PCR을 통해 수천개의 ESTs를 얻고 이를 클로닝하여 염기서열을 데이터베이스에서 분석 및 검색하고, PCR를 통해 상기 ESTs를 증폭한 후 분리 정제하여 DNA 칩 어레이를 이용하여 대조군과 함께 슬라이드에 어레이한 다음, 성장특이유전자의 발현 프로파일을 검색하기 위해 돼지의 근육과 지방 조직에서 분리한 총 RNA로부터 표적 DNA를 제조하고, 상기 슬라이드(프로브 DNA)와 표적 DNA를 혼성화(hybridization)시킨 다음, 이를 스캐닝하고 이미지 파일을 분석하여 돼지의 성장에 관여하는 특이유전자의 발현양상을 조사한 후, 돼지의 성장특이유전자만을 집적한 기능성 cDNA 칩을 제작함으로써 달성하였다.

#### 【발명의 구성 및 작용】

<11> 본 발명은 돼지의 근육과 지방 조직에서 ESTs의 확보 및 염기서열 정보 확인단계; 상기 ESTs를 이용하여 프로브 DNA 제조단계; 돼지의 근육과 지방 조직에서 얻은 형광물질이 결합된 표적 DNA(ESTs)와 상기 프로브 DNA의 혼성화, 스캐닝 및 이미지 파일 분석단계; 돼지의 성장에

관여하는 특이유전자의 발현 프로파일 검색; 및 상기의 성장특이유전자만을 집적한 기능성 cDNA 칩의 제작단계로 구성된다.

<12> 본 발명 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩은 하기의 단계로 제조됨을 특징으로 한다:

<13> 돼지의 근육과 지방조직에서 분리한 총 RNA로부터 PCR을 통해 4434개의 ESTs를 얻고,

<14> DNA 칩 어레이를 이용하여 상기 ESTs를 효모대조군과 함께 슬라이드에 어레이하고,

<15> 돼지의 근육과 지방 조직에서 분리한 총 RNA로부터 시아닌 3-dCTP 또는 시아닌 5-dCTP이 결합된 표적 DNA를 제조하고,

<16> 상기 슬라이드(프로브 DNA)와 표적 DNA를 혼성화(hybridization)시키고 이를 스캐닝하고 이미지 파일을 분석하여 돼지의 성장에 관여하는 특이유전자의 발현양상을 조사하고,

<17> 상기에서 검색된 돼지의 성장특이유전자만을 집적한 기능성 cDNA 칩을 제작함.

<18> 본 발명 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩은 돼지의 근육 및 지방 조직에서 특이적으로 발현되는 성장특이유전자로 구성된 프로브 및 상기 프로브가 고정된 기질을 포함함을 특징으로 한다.

<19> 본 발명 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩의 DNA 마이크로어레이 상에 고착되는 성장특이유전자군은 서열목록 서열 1 내지 5에 기재된 성장 인자 I, II, III, IV 및 V 의 염기서열을 포함함을 특징으로 한다.

<20> 본 발명 기능성 cDNA 칩의 기질은 실리콘 웨이퍼, 유리, 폴리카보네이트, 멤브레인, 폴리스틸렌 또는 폴리우레탄과 같은 고분자 필름이 바람직하다. 본 발명 DNA 마이크로어레이는 통상의 DNA 마이크로어레이 제조방법으로 프로브를 기질에 고정시켜 제조할 수 있으며, 포토리

소그래피방법, 압전인쇄방법, 마이크로 피젯팅, 스팟팅 등의 방법을 사용할 수 있으며, 본 발명은 스팟팅 방법을 사용하였다.

<21> 본 발명 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 키트는 돼지의 성장특이유전자가 집적된 기능성 cDNA 칩, Cy5-dCTP 또는 Cy3-dCTP과 결합시킨 검색 조직의 RNA에서 얻은 cDNA, 형광스캐닝시스템 및 컴퓨터분석시스템으로 이루어짐을 특징으로 한다.

<22> 이하, 본 발명의 구체적인 구성을 실시예를 통해 설명하지만, 본 발명의 권리범위가 이들 실시예에만 한정되는 것은 아니다.

<23> [실시예]

<24> 실시예 1 : 돼지의 성장에 관여하는 특이유전자의 발현 프로파일의 검색

<25> 돼지의 성장에 관여하는 성장특이유전자의 발현 프로파일을 검색하기 위해, 가고시마 버크셔종의 근육과 지방 조직에 분리한 총 RNA로부터 프로브 DNA를 제작하고, 상기 조직의 총 RNA에 형광물질을 결합시켜 표적 DNA를 제작하여 이들을 혼성화 시킨 다음 스캐닝하고 이미지 파일을 분석하여 돼지의 성장에 관여하는 특이유전자를 검색하고 이를 클로닝하여 염기서열을 밝혀내었다.

<26> 제조예 1: 프로브 DNA의 제조 및 어레이

<27> 우선, 슬라이드글라스에 부착하기 위해 PCR에 의해 증폭된 cDNA인 프로브 DNA를 제작하였다. 가고시마 버크셔종(체중이 30 kg 및 90 kg인 것을 선택함)의 등심부위의 근육 및 지방조직에서 RNA 분리 키트(독일 퀴아젠사)를 사용하여 메뉴얼에 따라 총 RNA를 분리하고 oligo(dT) column을 이용하여 mRNA를 분리하였다. 상기에서 분리한 mRNA 시료에 SP6, T3 정방향 프라이

며, T7 역방향 프라이머(영국 아머삼 파마시아 바이오테크)를 사용하여 RT-PCR을 실시하고 cDNA를 합성하였다. 각 PCR 반응물의 총 부피는 100  $\mu$ l로 하였다. 100 pM의 정방향 프라이머와 역방향 프라이머 각각을 96-웰 PCR 플레이트(영국 제네틱스)에 옮겼다. 각 웰에는 2.5 mM dNTP, 10 $\times$ PCR 버퍼, 25 mM MgCl<sub>2</sub>, 0.2  $\mu$ g의 DNA 주형, 2.5 유닛의 Taq 폴리머라아제가 포함되게 하였다. PCR은 GeneAmp PCR 시스템 5700(캐나다 AB 어플라이드 바이오시스템)에서 다음의 조건 하에서 실시하였다: 94 $^{\circ}$ C에서 30초, 58 $^{\circ}$ C에서 45초, 72 $^{\circ}$ C에서 1분으로 총 30 사이클.

<28> 증폭된 DNA의 크기는 아가로우즈 젤 전기영동에서 확인하였다. PCR 산물을 96-웰 플레이트에서 에탄올 침전을 실시한 후 건조시켜 -20 $^{\circ}$ C에서 저장하였다.

<29> 상기에서 준비된 총 4434개의 cDNA(ESTs)를 클로닝하여 돼지가 가지고 있는 유전자의 염기서열을 분석하고, 이들의 정보는 NCBI를 통해 알아내었다. 정보를 가진 유전자들을 다시 PCR을 통해 분리정제한 다음, 총 4434개의 cDNA(ESTs)가 놓여질 자리와 배치도를 만든 후, 총 4434개의 cDNA(ESTs)와 300개의 효모 대조군을 1.7 cm<sup>2</sup> 면적에 배열하였다. 그 후, 마이크로그리드 II(바이오로보틱스)를 이용하여 CMT-GAPSTM 아미노실레인(aminosilane)이 코팅된 현미경용 슬라이드글라스(코닝사 제품)에 프로브 DNA를 점적하였다. 스플릿 핀을 이용하여 마이크로그리드 II(MicroGrid II)로 프로브 DNA를 프린트하였다. 그 후 핀 장치를 마이크로플레이트 내 웰에 접근시켜 상기 용액을 슬라이드글라스에 주입하였다(1~2 nL). 프로브 DNA를 프린팅한 후, 슬라이드를 건조시키고, 점적시킨 DNA와 슬라이드를 스트라타링커TM(미국 스트라타진)을 이용하여 90 mJ에서 UV-크로스링킹으로 결합시키고, 실온에서 2분 동안 0.2% SDS로 두 번 세척하고, 실온에서 2분 동안 3차 증류수로 한번 세척하였다. 세척 후, 슬라이드를 95 $^{\circ}$ C 수조에 2분 동안 침지시키고, 억제제(blocking solution, pH7.4의 인산염 완충액 300 mL에 1.0 g NaBH<sub>4</sub>를 녹인 용액과 무수 에탄올 100 mL를 혼합한 용액)를 첨가하여 15분 동안 차단하였다. 그 후, 상



기 슬라이드를 실온에서 1분 동안 0.2% SDS로 3번 세척하고, 실온에서 2분 동안 3차 증류수로 한번 세척하고, 대기 중에서 건조시켰다.

<30>      제조예 2: 표적 DNA의 제조 및 혼성화(hybridization)

<31>      돼지 근육 및 지방 조직에서 성장에 관여하는 특이유전자를 검색하기 위한 표적 DNA를 제조하기 위해, 체중 30 kg과 90 kg의 가고시마 버크셔종(Kagoshima Berkshire)에서 등심부위(longissimus dorsi) 근육조직을 채취하였다. 지방 조직은 체중 30 kg의 가고시마 버크셔종에서 얻었다. 근육과 지방조직을 5-8 mm 길이로 자른 다음 액체질소로 냉동시켜 -70℃에서 보관하였다.

<32>      표적 DNA를 제조하기 위해 트리졸™ 키트(라이프 테크놀로지) 매뉴얼에 따라 0.2~1.0 g의 실험군과 대조군 조직에서 총 RNA를 분리하였다. 글래스-테프론 또는 폴리트론 균질기로 조직 50-100 mg 당 1 mL의 트리졸™을 조직 시료에 넣고 파쇄하였다. 4℃에서 12,000 g으로 10분 동안 원심분리한 후 상등액을 1 mL씩 분취(aliquot)하였다. 여기에 200  $\mu$ L의 클로로포름을 첨가하고 15초 동안 볼텍싱하고 15분 동안 얼음에 놓아 둔 후 4℃에서 12,000 g로 10분 동안 원심분리하였다. 동량의 클로로포름을 첨가하고 15초 동안 볼텍싱한 후 15분 동안 얼음에 놓아두었다. 이를 4℃에서 12,000 g로 10분 동안 원심분리한 후 상등액을 새 튜브로 옮기고 500  $\mu$ L의 이소프로판올을 첨가하고 볼텍싱하고 얼음에 15분 동안 놓아두었다. 얼음을 냉각시키고 4℃에서 12,000 g로 5분 동안 원심분리하고 상등액을 분리하고 여기에 75% 냉 에탄올 1 mL을 첨가한 후 4℃에서 12,000 g로 5분 동안 원심분리하였

다. 상등액을 취하여 클린벤취에서 30분 동안 얼음에서 건조시킨 다음 RNase가 제거된 물이나 DEPC 물 20 $\mu$ l로 RNA를 녹였다. 총 DNA 농도를 40  $\mu$ g/17  $\mu$ l로 하여 전기영동을 준비하였다.

<33> 표준 펄스트 스트랜드 cDNA 합성법(standard first-strand cDNA)에 따라 표적 DNA를 얻었다. 간단히 말해, Schuler(1996)의 방법에 따라, 총 RNA 40  $\mu$ g과 올리고 dT-18mer 프라이머(인비트로젠 라이프 테크놀로지)를 혼합하고 이를 65 $^{\circ}$ C에서 10분 동안 가열한 후 4 $^{\circ}$ C에서 5분간 냉각하였다. 그 후, 1  $\mu$ l의 25 mM dATP, dGTP 및 dTTP 혼합액, 1  $\mu$ l의 1 mM dCTP(프로메가) 및 2  $\mu$ l의 1 mM 시아닌 3-dCTP 혹은 2  $\mu$ l의 1 mM 시아닌 5-dCTP, 20 units의 RNase 저해제(인비트로젠 라이프 테크놀로지), 100 units의 M-MLV RTase, 2  $\mu$ l의 10 $\times$ 펄스트 스트랜드 완충액을 첨가한 후 피펫을 이용하여 혼합하였다. 반응혼합액을 38 $^{\circ}$ C에서 2시간 동안 인큐베이션한 후, 에탄올 침전에 따라 미결합 상태의 뉴클레오티드를 제거하였다. 이때 사용한 물은 DEPC 처리된 살균수를 사용하였다.

<34> 상기에서 제조한 슬라이드에 혼성화 용액(5 $\times$ SSC, 0.2% SDS, 1 mg/mL 청어 정자 DNA)으로 65 $^{\circ}$ C에서 1시간 동안 미리 혼성화(prehybridization)시켰다. 시아닌 3(Cy-3)와 시아닌 5(Cy-5)로 표지된 표적 DNA는 20  $\mu$ l의 혼성화 용액으로 재현탁하고 95 $^{\circ}$ C에서 2분 동안 변성시켰다. 그 후, 슬라이드와 상기 용액을 65 $^{\circ}$ C에서 밤새도록 혼성화시켰다. 상기 과정은 습윤 챔버에서 커버글라스(그레이스바이오랩)를 덮고 실시하였다.

<35> 혼성화 후, 슬라이드는 2 $\times$ SSC, 0.1% SDS 혼합액으로 실온에서 5분 동안 댄싱 셰이커(Dancing shaker)에서 격렬하게 교반하면서 4번 세척하였다. 그 후, 상기 슬라이드를 0.2 $\times$ SSC로 5분 동안 2번 세척하고, 0.1 $\times$ SSC로 실온에서 5분 동안 세척하였다.

<36> 상기 슬라이드는 스캔어레이 5000(GSI 루모닉스 버전 3.1)에서 50  $\mu$ m의 픽셀 사이즈로 스캔하였다. 시아닌 3-dCTP로 표지된 표적 DNA는 565 nm에서 스캔하고, 시아닌 5-dCTP로 표지

된 표적 DNA는 670 nm에서 스캔하였다. 2개의 형광강도는 시아닌 3-dCTP, 시아닌 5-dCTP로 표지된 스팟의 선 스캐닝에 따라 표준화하였다. 다시 상기 슬라이드를 스캔어레이 4000XL에서 10  $\mu$ m의 픽셀 사이즈로 스캔하였다. 이로부터 얻은 TIFF 이미지 화일을 퀀트어레이 소프트웨어 버전 2.1(Quantarray software version 2.1)에서 분석하고, 배경을 자동제거하였다. 각 스팟의 강도는 퀀트어레이에서 마이크로소프트 엑셀로 변환하였다.

<37> 그 결과, 하기 5개의 신규한 성장특이유전자를 밝혀내었다.

<38> 1. GF(growth factor) I gene: 서열목록 서열 1

<39>

gagaccagca aatactatgt gaccatcatt gatgcccag gacacagaga cttcatcaa	60
aacatgatta caggacatc ccaggctgac tgtgctgtoc tgattgttc tgcctgtgtt	120
ggtgaatttg agctggat ctccagagac gggcagacc gggagcatgc tcttctggct	180
tacacctgg gtgtgaaca gctgattgtt ggtgtcaaca aaatggattc caocagaca	240
ccatacagtc agagagata cggaggaac gttaaggag tcagcaacta cattagaaa	300
attggctaca aacctgacac agtagcattt gtgcacattt ctggttgaaa tggtagaac	360
atgctggag caagtgttaa tatgcttgg ttcaaggat ggaagtcac ccgaagat	420
ggcagtaca gtggcaaac gctgttgaa gctttggatt gtatctacc accactgt	480
ccactgaca agctctggg actgcccctc caggatgtct ataaaattgg agcatggc	540
actgtccgtg tgggcaggt ggaactggt gttctcaac ctggcatggt ggttaactt	600
gctocagta atgtaacac tgagtcag tctgttgaa tgcacatga agctttggt	660

<40> 2. GF(growth factor) II gene: 서열목록 서열 2

<41>

gctgctgat cggaggaac agtctatctt aatcacaga gattccggg caggagac	60
tggagacag agggglica tccagtcatt tgcacatc gggtcctg gggagaga	120
ggagagga cctactctg ggaatgca ggggctctg gggatcaga tcatcagtc	180
caacccctg ctggaggt ttggagac caggacggg aggaagaca actctctg	240
ctttggaaa ttatcagga tccattggg taccatggg aggtgggt ctgtgacat	300
cgacatat ctttagaga agtctagg cactttcag ctatggag aaggagta	360
ccactttt tatcagatca tggtaaca gggcagg ctattgaa tptctgat	420
cacacac ccatalgact agctctgt cagtcagg ggtcctctg tccagat	480
tgtgacaa gggagtgca tggacaga tagtcatt gaatctgt	540

<42> 3. GF(growth factor) III gene: 서열목록 서열 3

<43>                   gttgttctt taatatgat gttgcacaa gdtgattgg aggtcattg cagtaattt                   60  
                   tcaatggc cactacag aggalactt cagctttc ttactgatg acacaggag                   120  
                   ggatattc agagttcat tgaigtcdg agtgaagag tcaggagtg tgcttggtg                   180  
                   ttactaggg atgaaact gcagcaat gaggtttga aaagtgga taggaaga                   240  
                   aatgtgaa tctgtttc tggggatt gattccatg ttattgac cttgtgac                   300  
                   gtcatattc ctttagtga accattgat ctctaatg tagtttcat agtgaga                   360  
                   aggacag cactactt tacagga ggaataac agaataa atgggata                   420  
                   cttcagag aattctaa agtgtgtg gtgtgtg dgacagc taataaat                   480  
                   tcagtac agtgatc acaggag cagctaa ggaacaa gtgttag                   539

<44>                   4. GF(growth factor)IVgene: 서열목록 서열 4

<45>                   cattlaggggtaggc tggcagc cactggc dggcdgg cggcga                   60  
                   tccagc tadtga agtccac tggggc tadtct gacagt                   120  
                   ggggga tgggga caccaggagtggt agggct gatttag                   180  
                   aaggtag cggggt dtdctc tcdgga agataga gtcagc                   240  
                   ggcagca tccatgg cagggc ttgdtgc cggagt ctccagc                   300  
                   tcttctggatgggc ggggatt caggga ctatag cactagg                   360  
                   tgcatgacacagga gggdgt gcaag tcagtgggggacac                   419

<46>                   5. GF(growth factor)V gene: 서열목록 서열 5

<47>                   tatatagc agatcagt acatgggc tgcagga gggcaac aggaact                   60  
                   aggggtat aaataggta taggggt gacatata tadtac cggaggg                   120  
                   ggcaactag ggtcgca tagcatc ttctgggc gtaggtg cggtag                   180  
                   ttatagggt gcaagc atacact tacagac ttattagt acataga                   240  
                   ggctdga ccaactaa gtaggag tggagac tgggtta cctggag                   300  
                   tgttggt agtcgtc taggttc cgtagac ggttttac acatagg                   360  
                   cggtagc agtgtgt gaggtag gtdatgt agagtg gggggg                   420  
                   tgtagc ttatcag ttgttcag ccaact gcaaac ggttcta                   480  
                   ctcaact ggggtta gggag                   537

<48>                   실시예 2: 본 발명 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자 검색 및 기능분석용 기능성

cDNA 칩의 제작

<49>      상기 실시예 1에서 검색된 돼지의 성장단계에 따른 성장특이유전자로 서열목록 서열 1 내지 5에 기재된 성장인자 I, II, III, IV 및 V의 염기서열을 DNA 마이크로어레이 상에 고착시켜 제조예 1의 방법에 따라 돼지 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩을 제작하였다.

<50>      실시예 3: 본 발명 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 키트의 제작

<51>      상기 실시예 2에서 제작된 기능성 cDNA 칩, Cy5-dCTP 또는 Cy3-dCTP과 결합시킨 검색 조직의 RNA에서 얻은 cDNA, 형광스캐닝시스템 및 컴퓨터분석시스템으로 이루어진 돼지 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 키트를 제작하였다.

#### 【발명의 효과】

<52>      상기 실시예를 통하여 살펴본 바와 같이, 본 발명은 돼지의 성장특이유전자의 발현 프로파일의 검색 및 이를 이용한 기능성 cDNA 칩에 관한 것으로, 돼지의 근육과 지방 조직에서 성장에 관여하는 신규한 성장인자의 염기서열을 제공하는 뛰어난 효과가 있다. 또한, 본 발명은 상기에서 얻은 성장특이유전자만을 집적하여 제조된 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩을 제공하는 뛰어난 효과가 있다. 따라서, 본 발명의 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩은 종돈개량과 신품종 육종에 사용될 수 있어 양돈산업상 매우 유용한 발명인 것이다.

## 【특허청구범위】

## 【청구항 1】

돼지의 근육 및 지방 조직에서 성장에 관여하는 특이유전자로 구성된 프로브 및 상기 프로브가 고정된 기질을 포함하는 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩.

## 【청구항 2】

제 1항에 있어서, 상기 프로브 DNA는 서열목록 서열 1 내지 5에 기재된 염기서열을 포함함을 특징으로 하는 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 기능성 cDNA 칩.

## 【청구항 3】

제 1항 기재의 돼지의 성장에 관여하는 성장특이유전자가 집적된 기능성 cDNA 칩, Cy5-dCTP 또는 Cy3-dCTP과 결합시킨 검색 조직의 RNA에서 얻은 cDNA, 형광스캐닝시스템 및 컴퓨터분석시스템으로 이루어짐을 특징으로 하는 돼지의 품종별 조직별 성장특이유전자의 검색 및 기능분석용 키트.

## 【서열목록】

<110> KIM, Chulwook Gyeongsangnam-do <120> Screening expression  
profile of growth specific genes in swine and functional cDNA chip prepared  
by using the same <160> 5 <170> KopatentIn 1.71 <210> 1 <211> 660 <212>  
DNA <213> Kagoshima Berkshire <400> 1 gagaccagca aatactatgt gaccatcatt  
gatgccccag gacacagaga cttcatcaaa 60 aacatgatta caggcacatc ccaggctgac  
tgtgctgtcc tgattgttgc tgctggtgtt 120 ggtgaatttg aagctggtat ctccaagaac

```

gggcagaccc gcgagcatgc tcttctggct      180 tacaccctgg gtgtgaaaca gctgattgtt
ggtgtcaaca aaatggattc caccgagcca      240 ccatacagtc agaagagata cgaggaaatc
gttaaggaag tcagcaccta cattaagaaa      300 attggctaca accctgacac agtagcattt
gtgccaattt ctggttggaa tggtgacaac      360 atgctggagc caagtgctaa tatgccttgg
ttcaagggat ggaaagtcaç ccgcaaagat      420 ggcagtgcc a gtggcaccac gctgctggaa
gctttggatt gtatcctacc accaactcgt      480 ccaactgaca agcctctgcg actgcccctc
caggatgtct ataaaattgg aggcattggc      540 actgtccctg tgggccgagt ggagactgg
gttctcaaac ctggcatggg ggttaccttt      600 gctccagtca atgtaacaac tgaagtcaag
tctgttgaaa tgcacatga agctttgagt      660

```

```

660 <210>      2 <211>      530 <212>      DNA <213>      Kagoshima Berkshire <400>      2
gctgactgat cgggagaatc agtctatctt aatcacccgga gaatccgggg caggaaagac      60
tgtgaacacg aagcgtgtca tccagtactt tgccacaatc gccgtcactg gggagaagaa      120
gaaggaggaa cctactcctg gcaaaatgca ggggactctg gaagatcaga tcatcagtgc      180
caaccccctg ctgaggcct ttggcaacgc caagaccgtg aggaacgaca actcctctcg      240
ctttggtaaa ttcatacagga tccacttcgg taccactggg aagctggcct ctgctgacat      300
cgaaacatat cttctagaga agtctagagt cactttccag ctaaaggcag aaagaagcta      360
ccacatTTTT tatcagatca tgtctaaca gaagccagag ctcatgaaa tgctcctgat      420
caccaccaac ccatatgact acgccttcgt cagtcaaggg gagatcactg tccccagcat      480
tgatgaccaa gaggagctga tggccacaga tagtgccatt gaaatcctgg      530 <210>
3 <211>      539 <212>      DNA <213>      Kagoshima Berkshire <400>      3 gttgttcctt
taaatatgat gttgccacaa gctgcattgg agactcattg cagtaatat      60 tccaatgtgc

```

```

cacctacaag agagatactt caagtctttc ttactgatgt acacatgaag      120 gaagtaattc
agcagttcat tgatgtcctg agtgtagcag tcaagaaacg tgtcttgtgt      180 ttacctaggg
atgaaaacct gacagcaaat gaagttttga aaacgtgtga taggaaagca      240 aatgttgcaa
tcctgttttc tgggggcatt gattccatgg ttattgcaac ccttgctgac      300 cgtcatattc
ctttagatga accaattgat cttcttaatg tagctttcat agctgaagaa      360 aagaccatgc
caactacctt taacagagaa gggaataaac agaaaaataa atgtgaaata      420 ccttcagaag
aattctctaa agatgttgct gctgctgctg ctgacagtcc taataaacat      480 tcagtgtacc
agatcgaatc acaggaaggg cgggactaaa ggaactacaa gctgttagc      539 <210>    4 <211>
419 <212>    DNA <213>    Kagoshima Berkshire <400>    4 catttatgag ggctacgcgc
tgccgcacgc catcatgcgc ctggacctgg cgggccgcga      60 tctcaccgac tacctgatga
agatcctcac tgagcgtggc tactccttct gaccacagct      120 gagcgcgaga tcgtgcgcga
catcaaggag aagctgtgct acgtggccct ggacttcgag      180 aacgagatgg cgacggccgc
ctcctcctcc tccctggaaa agagctacga gctgccagac      240 gggcagggtca tcaccatcgg
caacgagcgc ttccgctgcc cggagacgct cttccagccc      300 tccttcatcg gtatggagtc
ggcgggcatt cacgagacca cctacaacag catcatgaag      360 tgtgacatcg acatcaggaa
ggacctgtat gccacaacg tcatgtcggg gggcaccac      419 <210>    5 <211>    507 <212>
DNA <213>    Kagoshima Berkshire <400>    5 tatatagaac cgaatcacgt aactgggcc
tgaccaagca gggccaaaac aaggcaacct      60 aggaggttat aaaataggta tacgcgcgct
gacacataca tactcactac ccgaacgcgg      120 ggacaactag ggctccgcca taagccatcc
tttctgggtc gtcgatgttg cgggctgcag      180 ttatagggtc gccaacgcc atacacacct
taccagccac ttattaagtt acatccacga      240 gggctctgta ccaccctaa gcagtggcag

```



tggtagccgc tgcccgtta ccctgcgcag

300 tgttggtgct agtccgtcc taagttccc

cgatagccgc cgctttttac acaccatcgg

360 cggactagac accgttggtt gcagcgtaag

cgtctatggt agcagctgcg gcgaccgccg

420 tgtagccagc ttactacatg ttagtttcag

caaccaccct gccaatacc gtgttccta

480 ctccaactct gtcggttca gccgcag

507